

TERMÉKEK



AlleleID® 7.72

Patogének detektálásához és faj-azonosításhoz lehet TaqMan, Molecular Beacon és microarray tesztek tervezni ezzel a szoftverrel.



Array Designer 4.25

Gyors és hatékony szoftver a microarray tesztekhez való oligók tervezéséhez. **Automatikusan figyelembe veszi a BLAST keresési eredményeket. Kiemelkedő funkciói: „Avoid Cross Homology” és „Avoid Template Structure” a nem kívánatos másodlagos szerkezetek elkerülését segítik.**



Beacon Designer™ 7.91

Sikeres SYBR® Green, TaqMan®, HRMA Primerek, MethyLight TaqMan®, LNA™ TaqMan®, molecular beacon tesztek tervezéséhez nyújt segítséget a szoftver. Mind a standard, mind a NASBA® tesztek, Scorpions® és FRET tesztek esetében **automatikusan figyelembe veszi a BLAST keresési eredményeket. Kiemelkedő funkciói: „Avoid Cross Homology” és „Avoid Template Structure” a nem kívánatos másodlagos szerkezetek elkerülését segítik.**



CellSee 1.00



Széles körű kép analízáló szoftver a sejt-alapú munkákhoz.



LAMP Designer™ 1.01



A Loop-Mediated Isothermal Amplification (LAMP) kísérletekhez való primerek tervezéséhez nyújt segítséget a program.



PrimerPlex 2.60

A standard multiplex PCR reakciókhoz, valamint Direct Hybridization (DHA) és Allele Specific Primer Extension (ASPE) tesztekhez való tervező szoftver.



Primer Premier 6.10

Egy PCR Primer tervező szoftver, mellyel nagy hatékonyságú primereket lehet tervezni a homológiák és nem kívánatos másodlagos szerkezetek automatikus kizárásával.



SimGlycan® 3.50

A szoftver az glikopeptidek MS adatainak kiértékelését végzi el.



SimLipid 2.20

NEW

Nagy áteresztőképességű lipid azonosító szoftver, mellyel az MS és MS/MS adatokat lehet feldolgozni.



SimVector 4.60

DNS analízáló és plazmid térkép rajzoló szoftver, mellyel klónozási kísérleteket is lehet tervezni (Gateway[®], TA és restrikciós klónozás).



TMA Foresight 3.01

A szöveti microarray kísérletek mérési eredményeit lehet ezzel a szoftverrel statisztikailag kiértékelni.



Xpression Primer 3.03

Több ezer primer tervezésére van lehetőség ezzel a szoftverrel egy gombnyomásra a nagy áteresztőképességű expressziós klónozási kísérletekhez.

CellSee

Sejt alapú szűrő eljárás. Magában foglalja a gyors és nagy mértékben párhuzamos biológiai és gyógyszerfejlesztési kutatásoknál használatos képek analízisét. A nagy kihívást a képek nagy áteresztőképességű analízise jelenti, ahol számos paramétert kell kinyerni a sejt külső hatásokra adott válaszaiból. A CellSee egy átfogó kép analizáló szoftver, amely lehetővé teszi a felhasználó számára a kvantitatív adatok kinyerését nagy felbontású mikroszkópokkal készült felvételetekből.

Alkalmas a morfológiai paraméterek kvantitatív kiértékelésére (apoptózis, sejt differenciáció, neuron növekedés, sejt proliferáció, stb.). A program által használt algoritmus minden sejt típus, festési és képalkotási eljárás esetén használható.

A CellSee szoftver támogatja a 8-, 16- és 32-bites képek feldolgozását is. Számos kép formátumot befogad: TIFF, GIF, JPEG, BMP, PNG és RAW. Ezen kívül a nagy mennyiségű, egymásra épülő felvételek kiértékelését is támogatja (metszetek). Az analízis során standard kép feldolgozási műveleteket (kontraszt beállítás, simítás, élesítés, él detektálás) is el lehet végezni. A szoftver ezek után számos morfológiai paraméter mérésére képes (szög, sejtszám, hossz, a teljes felvétel vagy kiválasztott képrészlet átlagának standard deviációja).

Egyszerre több kép-sorozat feldolgozása is lehetséges a programmal. Az eredményeket hozzáfűzi az eredeti képekhez.

A kép megjelenítése során lehetőség van nagyításra, kivágásra, skálázásra, elforgatásra, valamint vízszintes és függőleges irányú megfordításra is. Ezen felül kép átfedésekre és kép egyesítésekre is van mód.

A kiértékelni kívánt területeket bármilyen alakzattal ki lehet jelölni (nyilakkal, sokszögekkel, ellipszissel, vonalakkal és szabad kézzel).

Képes sűrűség és vonal grafikonok előállítására. Az eredményeket xls formában lehet kimenteni, valamint exportálni további feldolgozás céljára.

LAMP Designer

A LAMP Designer szoftver segítségével a Loop-mediated Isothermal Amplification (LAMP) reakciókhoz lehet primereket tervezni, ahol a cél molekula lehet akár DNS, akár RNS. Ez a technológia az automata ciklusok létrejöttén és a DNS-polimeráz mediálta lánc-helyettesítésen alapul. A reakció során 1 kiindulási kópia DNS-ből 109 kópia készülhet el 1 óra alatt. a reverz transzkripcióval csatolt LAMP során RNS molekulák amplifikálására van lehetőség.

A LAMP reakciókhoz 4 féle primerre van szükség (két belső és két külső), melyek hat különböző szekvenciát ismernek fel a célmolekulában. Ezért kritikus ezen primerek tervezése a sikeres teszthez.

A LAMP tervező szoftver automatikusan végrehajtja a BLAST keresést és kiszűri az adatbázisban előforduló jelentős kereszt-homológiákat. A tervezés után ismét lehetőség van BLAST keresésre az eredmények leellenőrzéséhez és megerősítéséhez.

A program segítségével a megtervezett primereket ellenőrizni lehet multiplex reakciókra is. Az eredményül kapott primereket a szoftver rangsorolja azok kötési stabilitása szerint.

Az eredményeket csv vagy Excel formátumban lehet exportálni.

Lehetőség van egyszerre több projekt menedzselésére is a programmal, így egy nagyobb adatbázis létrehozására is a célszekevevencákkal és a kapott primerekkel együtt.